BENEDETTA CARROZZINI

PROFILO PROFESSIONALE

Ricercatore presso Istituto di Cristallografia del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IC-CNR)

ESPERIENZE LAVORATIVE E PROFESSIONALI

Responsabile attività ricerca, 01/2009 - ad oggi Istituto di Cristallografia - CNR - Bari, Ba

Sviluppo ed applicazione di metodologie cristallografiche su dati di diffrazione (RX ed elettroni) da cristallo singolo, per la soluzione strutturale di composti di varia natura e complessità (dalle piccole molecole alle proteine).

(2009-2014: PM.P01.024.002; 2015-: DCM.AD003.082.001)

Ricercatore, 02/2001 - ad oggi Istituto di Cristallografia - CNR - Bari, Ba

Sviluppo di Metodologie innovative per la caratterizzazione di materiali cristallini di varia composizione e complessità strutturale Implementazione dei relativi algoritmi in software automatico per il calcolo cristallografico (SIR suite, Il Milione, EXPO)

ISTRUZIONE E FORMAZIONE

Ricercatore Ospite, Cristallografia

Kyungpook National University (KNU) - Daegu, South Korea Attività di ricerca: Sviluppo di nuovi inibitori per la terapia epigenetica del cancro. Supervisore: Prof. E. di Luccio; periodo di attività: ott. 2016

Alta Formazione, Cristallografia

Fondazione E. Majorana & IUCR - Erice

Scuola Internazionale di Cristallografia: "Electron Crystallography: New Methods to Explore Structure and Properties of the Nano World"; periodo 2-12/6/2011.

Alta Formazione (Progetto CNR), Cristallografia

IBB-CNR - Napoli

Corso avanzato di formazione "Utilizzo delle tecniche Ab-Initio, di Molecular Replacement e SAD/MAD per la risoluzione di strutture di proteine: studio di nuovi algoritmi"; Docenti: M.Saviano, R. Berisio, L. Vitaliano; periodo di attività: 7-11/3/2005; 26-29/6/2006.

Ricercatore Ospite, Cristallografia



CONTATTI

Indirizzo: Istituto di Cristallografia -Via G. Amendola 122/o, 70126, Bari, Ba

Telefono: +39 080 5929147

E-mail: benedetta.carrozzini@ic.cnr.it

Data di nascita: 01/05/1965

CAPACITÀ E COMPETENZE

- Sviluppo di metodologie innovative volte a migliorare il processo di soluzione strutturale di materiali di varia composizione chimica e complessità strutturale (da piccole molecole organiche o inorganiche fino ad acidi nucleici e proteine);
- Implementazione delle nuove teorie e dei relativi algoritmi in moderni software per il calcolo cristallografico, dedicati alla soluzione automatica della struttura mediante dati di diffrazione (raggi X o elettroni) da cristallo singolo;
- Analisi dei dati sperimentali finalizzata alla determinazione strutturale di piccoli composti e macromolecole.

I risultati dell'attività di ricerca sono riportati in oltre 85 pubblicazioni su riviste scientifiche internazionali

IRMEC- CNR - Bari

Attività di ricerca: Sviluppo di metodologie cristallografiche ed implementazione dei nuovialgoritmi in software per il calcolo automatico

Supervisore: Prof. C. Giacovazzo; periodo di attività: giu. 1997 - feb. 2001

Borsa di Studio CNR, Cristallografia

IRMEC-CNR - Bari

Attività di formazione e ricerca nell'ambito della tematica: Metodologie Cristallografiche applicate alle Scienze della Terra.

Supervisore: Prof. C. Giacovazzo; periodo di attività: giu. 1996 - giu. 1997

Borsa di Studio CNR, Cristallografia

IRMEC-CNR - Bari

Attività di formazione e ricerca nell'ambito della tematica: Tecniche di Diffrazione e Metodologie Cristallografiche applicate alle Scienze della Terra.

Supervisore: Prof. C. Giacovazzo; periodo di attività: mar. 1995 - feb. 1996

Borsa di Studio Post-Doc, Scienze della Terra, 12/1994 Università di Bari - Dipart. Geologia e Geofisica - Bari

Studio mineralogico di fasi carbonatiche della sezione di Montalbano Ionico

Supervisore: Prof. N. Ciaranfi

mag. 1993 - dic. 1994

Dottorato di Ricerca (PhD), Scienze della Terra, 07/1992 Università di Bari - Dipart. Geomineralogico - Bari

Titolo Tesi: Cristallochimica ed alterazione sperimentale delle ilvaiti.

Tutor Prof. C.L. Garavelli Abilitazione Nazione

Laurea , Scienze Geologiche, 07/1987

Università di Bari - Dipart. Geomineralogico - Bari

Titolo Tesi: Minerali metallici del Frigido (Alpi Apuane) – Relatori: Proff.

C.L. Garavelli e F. Vurro votazione: 110/110 e lode

LINGUE

Italiano: Madrelingua

Inglese: B2

Intermedio avanzato

PROGETTI DI RICERCA

Progetto di ricerca MUR – PNR 2015-2020 "Development of functional foods for the innovation of traditional Italian food products (ALIFUN)". Responsabile IC-CNR: R.Caliandro. Durata: gen. 2022- dic. 2023.

(Scopus H-index = 21) e testimoniati da varie comunicazioni a congressi e meeting (nazionali ed internazionali) e dalla partecipazione, in qualità di docente, a scuole di formazione e simposi (risultando spesso membro dei rispettivi comitati scientifici ed organizzatori). Progetto di ricerca bilaterale CNR – Royal Society (UK) "Bioremediation of aflatoxins by DypB: towards a full understanding of the reaction mechanism by time-resolved structural investigations". Responsabile IC-CNR: B.D. Belviso. Durata: gen. 2021 - dic. 2022

Progetto di ricerca PON "R&I" 2014-2020 "Innovative Devices For SHAping the RIsk of Diabetes (IDF SHARID)". Responsabile: M. Saviano. Durata: apr. 2018 - ott. 2022.

Progetto di ricerca H2020 – PON2014/2020 "Studio, progettazione e sviluppo di un kit innovativo per la diagnosi precoce e non invasiva della celiachia mediante marcatori genetici". Responsabile: M. Saviano. Durata: gen. 2017- dic. 2020.

Progetto di ricerca europeo H2020-FET Open-RIA.- "Revolutionising Downstream Processing of Monoclonal Antibodies by Continuous Template-Assisted Membrane Crystallization (AMECRYS)", Grant no. 712965. Responsabile IC-CNR: R. Caliandro. Leader del WorkTask 7.1-Communication & dissemination activities plan execution: B. Carrozzini. Durata: ott. 2016 - mar. 2021.

Progetto di ricerca bilaterale CNR - National Research Fundation of Korea (NRF). "Static and dynamic crystallographic investigations for developing new inhibitors for the epigenetic therapy of cancers". Responsabile IC-CNR: R. Caliandro. Durata del progetto: gen. 2016 – dic. 2017.

Progetto di ricerca bilaterale CNR - Polish Academy of Sciences (PAS) "New algorithms for protein dynamic studies and their application to protein crystallography". Responsabile: IC-CNR R. Caliandro. Durata del progetto: gen. 2014 - dic. 2016.

Progetto di ricerca Fondazione CON IL SUD (2011-PDR-20) "Verso la Medicina Personalizzata: sviluppo di nuove molecole selettive per la cura del Neuroblastoma". Responsabile: M. Saviano. Durata del progetto: ott. 2012 - sett. 2015.

Progetto di ricerca MIUR: "Global Phasing: dalle polveri alle Macromolecole". Responsabile: C. Giacovazzo. Durata del progetto: mag. 2004 - lug. 2007.

COMMISSIONI E COMITATI

Crystallographic Computing Commission dell'International Union of Crystallography (IUCr): Membro effettivo (2008-2011); Consulente (2011-2018)

Chair del Microsimposio: Frontiers in Methods and Techniques for crystal structure characterization del XLIX *Congresso Nazionale dell'Associazione Italiana di Cristallografia (AIC)*, 6-9/9/2021, Parma, Italy.

Membro del Comitato Scientifico ed Organizzatore: International EXPO/SIR workshop 2014.10-13/6/2014, Bari, Italy

Membro del Comitato Scientifico ed Organizzatore: PHARE2009: a modular workshop on global PHAse Retrivial. 15–24/4/2009, Martina

Franca (Ta), Italy

Membro del Comitato Organizzatore: 1st Precession Electron Diffraction

User Meeting. 8-9/5/2008, Martina Franca (Ta), Italy

Membro del Comitato Organizzatore: PHABIO: PHAsing BIOlogical

macromolecules. 23-27/6/2001, Martina Franca (Ta), Italy

Membro del Comitato Organizzatore: XXX Congresso Nazionale

dell'Associazione Italiana di Cristallografia (AIC). 19-22/9/2000, Martina Franca (Ta), Italy.

Membro del Comitato Organizzatore: The fifth SIR Workshop:

SIRWARE.96 – Single Crystal and Powder Data; X-Rays, Neutrons and

Electrons. 17-20/12/1996, Bari, Italy

DIDATTICA E COMUNICAZIONI

DIDATTICA:

Docente del Corso PCTO (12h): La Cristallografia: i segreti del microscopio più potente (Liceo Scientifico IISS Marconi-Hack, classe terza), Bari, Italy. periodo di attività marzo-giugno-2022

Docente del Workshop (20h): 1st Brazilian Hands-on Workshop:

SIR/EXPO 2014. 3-7/11/2014, Sao Carlos, Brazil.

Docente del Workshop (20h): International EXPO/SIR workshop 2014. 10-13/6/2014, Bari, Italy

Docente del Workshop (20h): PHARE2009: a modular workshop on

global PHAse Retrivial. 15–24/4/2009, Martina Franca (Ta), Italy

Docente della Sessione Pratica (80h): per i corsi di Mineralogia e

Cristallografia (Laurea in Chimica e Laurea in Scienze dei Materiali),

Università di Bari. Responsabile dei Corsi Prof. C. Giacovazzo; periodo
di attività 1996-2009

Docente della Scuola AIC2002 (2h): Il problema della Fase in Cristallografia: Teoria e Applicazioni. 23-24/9/2002, Bressanone, Italy Docente dell'Euroconference (20h): PHABIO: PHASing BIOlogical macromolecules. 23-27/6/2001, Martina Franca (Ta), Italy.

Docente della Scuola AIC1998 (4h): Diffrattometria da materiali policristallini: recenti sviluppi delle tecniche di risoluzione e di raffinamento strutturale. 8-12/9/1998, Perugia, Italy.

Docente del Workshop (20h): The fifth SIR Workshop: SIRWARE.96 – Single Crystal and Powder Data; X-Rays, Neutrons and Electrons. 17-20/12/1996, Bari, Italy

Docente del Corso (10h): Formazione e ricerca per Specialisti di Recupero di insediamenti storici (promosso dalla Regione Basilicata), Matera, Italy. Responsabile del Corso: Prof. S. Lorenzoni; periodo di attività: marzo-giugno/1995.

COMUNICAZIONI SCIENTIFICHE (dal 2015 -):

<u>Comunicazione su invito</u>: Structural characterization of crystalline materials (with different complexity) by Single-Crystal Diffraction Analysis - *IC-ICB Workshop* (Webinar, 10/3/2022)

<u>Comunicazione su invito</u>: The Sir Program - XLVI Congresso Nazionale AIC (software fayre) – Perugia (Italy), 26-29/6/2017.

<u>Cominicazione su invito</u>: Advances in Methods for Macromolecular Structure Solution: Ab Initio and MR Approaches - International Joint Seminar: *KNU Creative BioResearch Group & Advanced Bio-resource* Research Center – Daegu (S. Korea), 27/10/2016.

<u>Comunicazione su invito (Key Note)</u>: Advances in Methods for Macromolecular Structure Solution: Ab Initio and MR Approaches -: *XLIV Congresso Nazionale AIC* – Vercelli (Italy), 14-17/9/2015.

STRUTTURE DEPOSITATE

Strutture depositate nel Protein Data Bank (PDB)

70BF: Crystal structure of the human VH antibody domain HEL4 - Belviso, B.D., Caliandro, R., Carrozzini, B. - DOI: 10.2210/pdb7OBF/pdb - Deposited: 22/04/2021; Released: 05/05/2021

7B9J: Lysozyme crystallized in the presence of the hydrated deep eutectic solvent Choline chloride-Urea 2:1 - Belviso, B.D., Caliandro, R., Carrozzini, B. - DOI: 10.2210/pdb7B9J/pdb - Deposited: 16/12/2020; Released: 20/10/2021

7BAZ: Lysozyme crystallized in the presence of the hydrated deep eutectic solvent Choline chloride-Glicerol 1:2 - Belviso, B.D., Caliandro, R., Carrozzini, B. - DOI: 10.2210/pdb7BAZ/pdb - Deposited: 16/12/2020; Released: 20/10/2021

7BB1: Lysozyme crystallized in the presence of the hydrated deep eutectic solvent Choline chloride-Glutamic acid 2:1 - Belviso, B.D., Caliandro, R., Carrozzini, B. - DOI: 10.2210/pdb7BB1/pdb - Deposited: 16/12/2020; Released: 20/10/2021

5H6Z: Crystal structure of Set7, a novel histone methyltransferase in Schizossacharomycespombe - Mevius, D.E.H.F., Shen, Y., Morishita, M., Carrozzini, B., Caliandro, R., Luccio, E.D. - DOI: 10.2210/pdb5H6Z/pdb - Deposited: 15/11/2016; Released: 22/11/2017

5WW0: Crystal structure of Set7, a novelhistonemethyltransferase in Schizossacharomycespombe - Mevius, D.E.H.F., Shen, Y., Morishita, M., Carrozzini, B., Caliandro, R., Luccio, E.D. - DOI: 10.2210/pdb5WWO/pdb - Deposited: 30/12/2016; Released: 06/12/2017

6TOV: Crystal structure of Teicoplanin Aglycone - Belviso, B.D., Carrozzini, B., Caliandro, R., Altomare, C.D., Bolognino, I., Cellamare, S. - DOI: 10.2210/pdb6TOV/pdb - Deposited: 12/12/2019; Released: 15/01/2020

Strutture depositate nel Cambridge Crystallographic Data Centre (CCDC)

EFISIY: CCDC 1468879: Experimental Crystal Structure Determination, Deposited 02/08/2018, DOI: 10.5517/ccdc.csd.cc1l9h6l – Carrozzini B., Belviso B.D., Bruno C., Cavalluzzi M.M., Lovece A., Lentini G., Caliandro R.,

Journal of Chemical Crystallography, 2019, 49, 87, DOI: 10.1007/s10870-018-0739-x

ATOGAT: CCDC 1430059: Experimental Crystal Structure Determination, Deposited 09/03/2016, DOI: 10.5517/ccdc.csd.cc1k02yl - Dell'Anna M.M., Censi V., Carrozzini B., Caliandro R., Denora N., Franco M., Veclani D., Melchior A., Tolazzi M., Mastrorilli P., Journal of Inorganic Biochemistry, 2016, 163, 346, DOI: 10.1016/j.jinorgbio.2016.08.006

ATOGEX: CCDC 1430058: Experimental Crystal Structure Determination, Deposited 09/03/2016, DOI: 10.5517/ccdc.csd.cc1k02xk - Dell'Anna M.M., Censi V., Carrozzini B., Caliandro R., Denora N., Franco M., Veclani D., Melchior A., Tolazzi M., Mastrorilli P., Journal of Inorganic Biochemistry, 2016, 163, 346, DOI: 10.1016/j.jinorgbio.2016.08.006

IYUKAQ: CCDC 1430050: Experimental Crystal Structure Determination,
Deposited 07/10/2015, DOI: 10.5517/ccdc.csd.cc1k02xk1430050 Dell'Anna M.M., Censi V., Carrozzini B., Caliandro R., Denora N., Franco M.,
Veclani D., Melchior A., Tolazzi M., Mastrorilli P., Journal of Inorganic
Biochemistry, 2016, 163, 346, DOI: 10.1016/j.jinorgbio.2016.08.006

SOFTWARE SVILUPPATO

La Dr. Carrozzini è coautore (e principale sviluppatore) di software cristallografico per la soluzione automatica di strutture di piccole, medie e grandi dimensioni (proteine o acidi nucleici), su dati di diffrazione (raggi X o elettroni) da cristallo singolo (e da polveri). Il software è diffusamente e proficuamente utilizzato dalla comunità scientifica internazionale in migliaia di laboratori in tutto il mondo. (Numero di Citazioni da SCOPUS, al 20/9/2022)

Sir2014/19: Burla M.C., Caliandro R., Carrozzini B., Cascarano G.L., Cuocci C., Giacovazzo C., Mallamo M., Mazzone A. & Polidori G. (2015) – Crystal structure determination and refinement *via* SIR2014- *Jour. Appl. Cryst.*, 48, 306-309. N. Citaz. 578

Sir2011: Burla M.C., Caliandro R., Camalli M., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C., Mazzone A., Polidori G., Siliqi D. & Spagna R. (2012) – SIR2011: a new package for crystal structure determination and refinement - *Jour. Appl. Cryst.*, 45, 357-361. N. Citaz. 499

Il Milione: Burla M.C., Caliandro R., Camalli M., Carrozzini B., Cascarano G.L., De Caro L., Giacovazzo C., Polidori G., Siliqi D. & Spagna R. (2007) – *Il Milione*: a suite of computer programs for crystal structure solution of proteins – *Jour. Appl. Cryst.*, 40, 609-613. N. Citaz. 605

Sir2004: Burla M.C., Caliandro R., Camalli M., Carrozzini B., Cascarano G.L., De Caro L., Giacovazzo C., Polidori G. & Spagna R. (2005) – SIR2004: an improved tool for crystal structure determination and refinement – *Jour. Appl. Cryst.*, 38, 381-388. n. Citaz. 2489

Sir2002: Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2002) – More power for Direct Methods: *SIR2002 – Zeit. Kristall.*, 217, 629-635. (Special Issue on *Direct Methods for Macromolecular Crystallography*). N. Citaz. 62

Expo: Altomare A., Burla M.C., Camalli M., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C., Guagliardi a., Moliterni A.G.G., Polidori G. & Rizzi R. (1999) - EXPO: a program for full powder pattern decomposition and crystal structure solution - Jour. Appl. Cryst., 32, 339-340. N. Citaz. 449

PUBBLICAZIONI

ARTICOLI (dal 2015 -):

- 1. Belviso B.D., Mangiatordi G.F., Alberga D., Mangini V., Carrozzini B. & Caliandro R. (2022) - Structural Characterization of the Full-Length Anti-CD20 Antibody Rituximab, Front. Mol. Biosci., 9, 823174.
- 2. Bolognino I., Carrieri A., Purgatorio R., Catto M., Caliandro R., Carrozzini B., Belviso B.D., Majellaro M., Sotelo E., Cellamare S. & Altomare C.D. (2022) - Enantiomeric Separation and Molecular Modelling of Bioactive 4-Aryl-3,4-dihydropyrimidin-2(1H)-one Ester Derivatives on Teicoplanin-Based Chiral Stationary Phase, Separations, 9, 7.
- 3. Belviso, B.D., Perna, F.M., Carrozzini, B., Trotta, M., Capriati, V. & Caliandro, R. (2021) - Introducing Protein Crystallization in Hydrated Deep Eutectic Solvents, ACS Sustain. Chem. Eng. 9, 8435-8449.
- 4. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2020) - Properties of fourier syntheses and new syntheses - Crystals, 10, 538.
- 5. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2020) – Cyclic automated model building (CAB) applied to nucleic acids - Crystals, 10, 280.
- 6. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2020) – How far are we from automatic crystal structure solution via molecular-replacement techniques? - Acta Cryst., D76, 9-18.
- 7. Shen Y., Mevius D., Caliandro R., Carrozzini B., Roh Y., Kim J., Kim S., Ha S.C., Morishita M. & Eric di Luccio (2019) - Set7 is a Novel H3k37 Methyltransferase in Schizosaccharomyces Pombe and Required for Proper Gametogenesis - Structure 27, 631-638.
- 8. Carrozzini B., Belviso B.D., Bruno C., Cavalluzzi M.M., Lovece A., Lentini G. & Caliandro R. (2019) - The crystal structure of N-[(2E)-3-(4chlorophenyl)prop-2-en-1-yl]-4-methoxy-N-
- methylbenzenesulfonamide J. Chem. Crystallogr. 49, 87-91.
- 9. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2018) – CAB, a cyclic automatic model building procedure - Acta Cryst. D74, 1096-1104.
- 10. Italiano F., Agostiano A., Belviso B.D., Caliandro R., Carrozzini B., Comparelli R., Melillo M.T., Mesto E. Tempesta G. & Trotta M. (2018) -Interaction between the photosynthetic anoxygenic microorganism Rhodobacter sphaeroides and soluble gold compounds. From toxicity to gold nanoparticle synthesis - Colloids Surf. B, 172, 362-371.
- 11. Giacovazzo C., Carrozzini B. & Cascarano G.L. (2018) Probabilistic Estimate of |Foa| from FEL Data - Crystals, 8, 175-185.

- 12. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2018) Phasing *via* pure crystallographic least squares: an unexpected feature *Acta Cryst.*, A74, 123-130.
- 13. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2017) About difference electron densities and their properties *Acta Cryst.*, A73, 460-473.
- 14. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2017) Solving proteins at non-atomic resolution by Direct Methods: update *Jour. Appl. Cryst.*, 50, 1048-1055.
- 15. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2017) MPF, a multipurpose FOM for phasing procedures *Acta Cryst.*, A73, 69-76.
- 16. Dell'Anna M.M., Censi V., Carrozzini B., Caliandro R., Denora N., Franco M., Veclani D., Melchior A., Tolazzi M. & Mastrorilli P. (2016) Triphenylphosphane Pt(II) complexes containing biologically active natural polyphenols: Synthesis, crystal structure, molecular modeling and cytotoxic studies *J. Inorg. Biochem.*, 163, 346-361.
- 17. Carrozzini B., Cascarano G.L. & Giacovazzo C. (2016) Phase improvement *via* the *Phantom Derivative* technique: ancils that are related to the target structure *Acta Cryst.*, D72, 551-557.
- 18. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2015) Solving protein at non-atomic resolution by Direct Methods-Jour. Appl. Cryst., 48, 1692-1698.
- 19. Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Polidori G. (2015) Refining a model electron-density map *via* the *Phantom Derivative* method *Acta Cryst.*, D71, 1864-1871.
- 20. Carrozzini B., Cascarano G.L., Giacovazzo C. & Mazzone A. (2015) Advances in molecular-replacement procedures: the REVAN pipeline *Acta Cryst.*, D71, 1856-1863.
- 21. Burla M.C., Caliandro R., Carrozzini B., Cascarano G.L., Cuocci C., Giacovazzo C., Mallamo M., Mazzone A. & Polidori G. (2015) Crystal structure determination and refinement *via* SIR2014- *Jour. Appl. Cryst.*, 48, 306-309.

CAPITOLI DI LIBRO:

1. Caliandro R., Carrozzini B. & Mazzone A. (2012) – Phasing Methods in Crystallography: Theory and Applications – in: *Crystallography: Research, Technology and Applications* (Ed. by Hokkaido & Nagano), Nova Science Publishers, NY (USA) pp. 1-30. ISBN 978-1-62081-574-8

2. Giacovazzo C., Altomare A., Burla M.C., Carrozzini B., Cascarano G.L., Guagliardi A., Moliterni A.G.G., Polidori G. & Rizzi R. (2002) - Direct Methods in powder diffraction – applications – In: *Structure Determination from Powder Diffraction Data*, Edited by David W.I.F., Shankland K.. McCusker L.B., Baerlocher C., IUCr Monographs in Crystallography n.13, Oxford University Press ISBN 0-19-850091-2